

Supplementary Figure S2 Alignment of the coding sequence (CDS) of *betaine aldehyde dehydrogenase 1* (*BADH1*) protein encoded by from sorghums Ambemohor (fragrant), KU630 (non-fragrant) and BTx623 (reference sequence; non-fragrant). Single nucleotide polymorphisms (SNPs) are bolded. Green highlight indicates SNP that causes amino acid change.

BTx623	ATGGCGCCGCCGAGACGGTCCCCGGCGGGCCCTTTCATTGGCGGGGGCTGGAGGGAG	60
KU630	ATGGCGCCGCCGAGACGGTCCCCGGCGGGCCCTTTCATTGGCGGGGGCTGGAGGGAG	60
Ambemohor	ATGGCGCCGCCGAGACGGTCCCCGGCGGGCCCTTTCATTGGCGGGGGCTGGAGGGAG *****	60
BTx623	CCGTGCCTCGGGCGCCGCCTCCCCGTCGTCAACCCGGCCACGGAGGCCACCATCGGCGAC	120
KU630	CCGTGCCTCGGGCGCCGCCTCCCCGTCGTCAACCCGGCCACGGAGGCCACCATCGGCGAC	120
Ambemohor	CCGTGCCTCGGGCGCCGCCTCCCCGTCGTCAACCCGGCCACGGAGGCCACCATCGGCGAC *****	120
BTx623	ATCCCGGCGGGCACGGCGGAGGACGTGGAGATCGCGGTCGCCGCGGCGGGACGCGTTC	180
KU630	ATCCCGGCGGGCACGGCGGAGGACGTGGAGATCGCGGTCGCCGCGGCGGGACGCGTTC	180
Ambemohor	ATCCCGGCGGGCACGGCGGAGGACGTGGAGATCGCGGTCGCCGCGGCGGGACGCGTTC *****	180
BTx623	TCCCGCGACGGCGGGAGGCACTGGTCGCGTGCCTCTGGGGCCATGCGAGCCAACTTTCTC	240
KU630	TCCCGCGACGGCGGGAGGCACTGGTCGCGTGCCTCTGGGGCCATGCGAGCCAACTTTCTC	240
Ambemohor	TCCCGCGACGGCGGGAGGCACTGGTCGCGTGCCTCTGGGGCC AT GCGAGCCAACTTTCTC *****	240
BTx623	AGAGCGATCGCCGCCAAGATTAAAGATAGGAAATCTGAGCTGGCTTTGCTGGAGACACTT	300
KU630	AGAGCGATCGCCGCCAAGATTAAAGATAGGAAATCTGAGCTGGCTTTGCTGGAGACACTT	300
Ambemohor	AGAGCGATCGCCGCCAAGATTAAAGATAGGAAATCTGAGCTGGCTTTGCTGGAGACACTT *****	300
BTx623	GATTCTGGGAA A CTCTGGATGAAGCAAGTGCAGACATGGATGATGTCGCTGCATGCTTT	360
KU630	GATTCTGGGAA A CTCTGGATGAAGCAAGTGCAGACATGGATGATGTCGCTGCATGCTTT	360
Ambemohor	GATTCTGGGAA AG CTCTGGATGAAGCAAGTGCAGACATGGATGATGTCGCTGCATGCTTT *****	360
BTx623	GAGTACTATGCTGATCTGGCGGAAGCTTTAGATGGGAAGCAACGTTACCAATCTCTCTG	420
KU630	GAGTACTATGCTGATCTGGCGGAAGCTTTAGATGGGAAGCAACGTTACCAATCTCTCTG	420
Ambemohor	GAGTACTATGCTGATCTGGCGGAAGCTTTAGATGGGAAGCAACGTTACCAATCTCTCTG *****	420
BTx623	CCTATGGAAA A CTTCAAGTCATATGTACTTAAAGAACCATTGGGGTTGTTGGACTGATC	480
KU630	CCTATGGAAA A CTTCAAGTCATATGTACTTAAAGAACCATTGGGGTTGTTGGACTGATC	480
Ambemohor	CCTATGGAAA A CTTCAAGTCATATGTACTTAAAGAACCATTGGGGTTGTTGGACTGATC *****	480
BTx623	ACTCCTTGGA A CTATCCTCTGTTGATGGCAACTTGGAAGGTCGCACCTGCCTTGGCTGCT	540
KU630	ACTCCTTGGA A CTATCCTCTGTTGATGGCAACTTGGAAGGTCGCACCTGCCTTGGCTGCT	540
Ambemohor	ACTCCTTGGA A CTATCCTCTGTTGATGGCAACTTGGAAGGTCGCACCTGCCTTGGCTGCT *****	540
BTx623	GGGTGTACAGCTGTATTAAAGCCTTCAGAATTGGCTTCTGTGAGTTGCTTAGAGCTTGGT	600
KU630	GGGTGTACAGCTGTATTAAAGCCTTCAGAATTGGCTTCTGTGAGTTGCTTAGAGCTTGGT	600
Ambemohor	GGGTGTACAGCTGTATTAAAGCCTTCAGAATTGGCTTCTGTGAGTTGCTTAGAGCTTGGT *****	600
BTx623	GCAATATGTATGGAA A TAGGCCTACCACCAGGTGCTTCAATGTAATTACTGGTCTGGGC	660
KU630	GCAATATGTATGGAA A TAGGCCTACCACCAGGTGCTTCAATGTAATTACTGGTCTGGGC	660
Ambemohor	GCAATATGTATGGAA A TAGGCCTACCACCAGGTGCTTCAATGTAATTACTGGTCTGGGC *****	660
BTx623	CCTGAAGCTGGT G CTCCATTATCCTCACATCCCCATGTGGATAAGATTGCTTTTACTGGA	720
KU630	CCTGAAGCTGGT G CTCCATTATCCTCACATCCCCATGTGGATAAGATTGCTTTTACTGGA	720
Ambemohor	CCTGAAGCTGGT G CTCCATTATCCTCACATCCCCATGTGGATAAGATTGCTTTTACTGGA *****	720

BTx623	AGTACAGAAACTGGTAAGAGGATAATGACTTCAGCTGCCCAAATGGTTAAGCCTGTTTCA	780
KU630	AGTACAGAAACTGGTAAGAGGATAATGACTTCAGCTGCCCAAATGGTTAAGCCTGTTTCA	780
Ambemohor	AGTACAGAAACTGGTAAGAGGATAATGACTTCAGCTGCCCAAATGGTTAAGCCTGTTTCA *****	780
BTx623	TTAGAGCTTGGTGGCAAAAGTCCTCTTATTGTCTTTGATGACATTCGTGACATTGACAAA	840
KU630	TTAGAGCTTGGTGGCAAAAGTCCTCTTATTGTCTTTGATGACATTCGTGACATTGACAAA	840
Ambemohor	TTAGAGCTTGGTGGCAAAAGTCCTCTTATTGTCTTTGATGACATTCGTGACATTGACAAA *****	840
BTx623	GCTGTTGAATGGACCATGTTTGGGATCTTCGCAAATGCTGGTCAAGTCTGCAGTGCTACT	900
KU630	GCTGTTGAATGGACCATGTTTGGGATCTTCGCAAATGCTGGTCAAGTCTGCAGTGCTACT	900
Ambemohor	GCTGTTGAATGGACCATGTTTGGGATCTTCGCAAATGCTGGTCAAGTCTGCAGTGCTACT *****	900
BTx623	TCTCGTCTACTGCTGCATGAGAAAATTGCAAAGAAATCTTGGATAGATTGGTTGCATGG	960
KU630	TCTCGTCTACTGCTGCATGAGAAAATTGCAAAGAAATCTTGGATAGATTGGTTGCATGG	960
Ambemohor	TCTCGTCTACTGCTGCATGAGAAAATTGCAAAGAAATCTTGGATAGATTGGTTGCATGG *****	960
BTx623	GCAAAGAATATAAAAAGTCTCAGATCCACTGGAGGAAGGCTGCAGACTGGGTTTCAGTTGTC	1020
KU630	GCAAAGAATATAAAAAGTCTCAGATCCACTGGAGGAAGGCTGCAGACTGGGTTTCAGTTGTC	1020
Ambemohor	GCAAAGAATATAAAAAGTCTCAGATCCACTGGAGGAAGGCTGCAGACTGGGTTTCAGTTGTC *****	1020
BTx623	AGTGAAGGACAGTACGAAAAGATAAAAGAAGTTCATCTCAACTGCAAGAAGTGAAGGTGCC	1080
KU630	AGTGAAGGACAGTACGAAAAGATAAAAGAAGTTCATCTCAACTGCAAGAAGTGAAGGTGCC	1080
Ambemohor	AGTGAAGGACAGTACGAAAAGATAAAAGAAGTTCATCTCAACTGCAAGAAGTGAAGGTGCC *****	1080
BTx623	ACAATTCTGTATGGAGGTGCCCCGACCACAGCATCTCAAAGAGGGTCTTTCTTGAACCT	1140
KU630	ACAATTCTGTATGGAGGTGCCCCGACCACAGCATCTCAAAGAGGGTCTTTCTTGAACCT	1140
Ambemohor	ACAATTCTGTATGGAGGTGCCCCGACCACAGCATCTCAAAGAGGGTCTTTCTTGAACCT *****	1140
BTx623	ACAATTATAACAGATATTAGTACGTCAATGCAAATTTGGCGAGAGGAAGTCTTTGGACCT	1200
KU630	ACAATTATAACAGATATTAGTACGTCAATGCAAATTTGGCGAGAGGAAGTCTTTGGACCT	1200
Ambemohor	ACAATTATAACAGATATTAGTACGTCAATGCAAATTTGGCGAGAGGAAGTCTTTGGACCT *****	1200
BTx623	GTCATCTGCGTTAAAGAATTCAGGAGAGAGAGTGAAGCTGTGGAACCTTGCAAATGATACT	1260
KU630	GTCATCTGCGTTAAAGAATTCAGGAGAGAGAGTGAAGCTGTGGAACCTTGCAAATGATACT	1260
Ambemohor	GTCATCTGCGTTAAAGAATTCAGGAGAGAGAGTGAAGCTGTGGAACCTTGCAAATGATACT *****	1260
BTx623	CAGTATGGTTTAGCTGGTGCCGTGATCTCCGATGATCAAGAGAGGTGCGAGCGCATTTC	1320
KU630	CAGTATGGTTTAGCTGGTGCCGTGATCTCCGATGATCAAGAGAGGTGCGAGCGCATTTC	1320
Ambemohor	CAGTATGGTTTAGCTGGTGCCGTGATCTCCGATGATCAAGAGAGGTGCGAGCGCATTTC *****	1320
BTx623	AAGGCTCTTCAATCTGGCATTATTTGGATAAACTGCTCGCAACCAATGCTTCGTCCAAGCT	1380
KU630	AAGGCTCTTCAATCTGGCATTATTTGGATAAACTGCTCGCAACCAATGCTTCGTCCAAGCT	1380
Ambemohor	AAGGCTCTTCAATCTGGCATTATTTGGATAAACTGCTCGCAACCAATGCTTCGTCCAAGCT *****	1380
BTx623	CCATGGGGAGGGAACAAGCGGAGCGGTTTTGGTTCGGGAGCTCGGAGAATGGGGCCTTGAT	1440
KU630	CCATGGGGAGGGAACAAGCGGAGCGGTTTTGGTTCGGGAGCTCGGAGAATGGGGCCTTGAT	1440
Ambemohor	CCATGGGGAGGGAACAAGCGGAGCGGTTTTGGTTCGGGAGCTCGGAGAATGGGGCCTTGAT *****	1440
BTx623	AACTACATGACCGTGAAGCAAGTCACCAAGTATTGCTCGGATGAACCGTGGGGATGGTAC	1500
KU630	AACTACATGACCGTGAAGCAAGTCACCAAGTATTGCTCGGATGAACCGTGGGGATGGTAC	1500
Ambemohor	AACTACATGACCGTGAAGCAAGTCACCAAGTATTGCTCGGATGAACCGTGGGGATGGTAC *****	1500

BTx623	CAGCCTCCATCCAAGCTGTGA	1521
KU630	CAGCCTCCATCCAAGCTGTGA	1521
Ambemohor	CAGCCTCCATCCAAGCTGTGA	1521
